

COMP-001_ST25.txt
SEQUENCE LISTING

<110> COMPLIX, NV
 <120> ALPHABODY LIBRARIES AND METHODS FOR PRODUCING THE SAME
 <130> COMP-001-PCT
 <160> 85
 <170> PatentIn version 3.5
 <210> 1
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> sequence including variegated amino acids denoted with x

<220>
 <221> N-terminal
 <222> (1)..(2)

<220>
 <221> HRS1
 <222> (3)..(27)

<220>
 <221> L1
 <222> (28)..(46)

<220>
 <221> HRS2
 <222> (47)..(71)

<220>
 <221> L2
 <222> (72)..(90)

<220>
 <221> HRS3
 <222> (91)..(115)

<220>
 <221> C-terminal
 <222> (116)..(117)

<400> 1

Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
 1 5 10 15

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Arg Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Met Ser Ile Glu
 35 40 45

Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Arg Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly
 Page 1

COMP-001_ST25.txt

Ile Gln Glu Xaa Ile Ala Xaa Ile Gln Lys Xaa Ile Tyr Xaa Met Thr
35 40 45
Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly
50 55 60
Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80
Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
85 90 95
Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Met Ser Ile Glu
100 105 110
Glu Ile Gln Lys Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Glu Gln Ile Xaa Ala Ile
115 120 125
Xaa Lys Gln Ile Xaa Ala Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala Ala
130 135 140
Ala His His His His His His Gly Arg Ala Glu
145 150 155

<210> 3
<211> 134
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Sequence including variegated amino acids denoted as x

<220>
<221> N-terminal
<222> (1)..(22)

<220>
<221> HRS1
<222> (23)..(40)
<223> x= any amino acid

<220>
<221> HRS1
<222> (23)..(40)
<223> Xaa = any amino acid

<220>
<221> L1
<222> (41)..(59)

<220>
<221> HRS2
<222> (60)..(77)

<220>
<221> L2
<222> (78)..(96)

<220>
 <221> HRS3
 <222> (97)..(114)
 <223> x= any amino acid

<220>
 <221> C-terminal
 <222> (115)..(134)
 <223> x= any amino acid

<400> 3

Met Lys Tyr Leu Leu Pro Thr Ala Ala Ala Gly Leu Leu Leu Ala
 1 5 10 15

Ala Gln Pro Ala Met Asp Ile Gln Gln Ile Gln Lys Xaa Ile Ala Xaa
 20 25 30

Ile Gln Glu Xaa Ile Tyr Xaa Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser
 35 40 45

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Met Asp Ile Gln Gln Ile Gln
 50 55 60

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly
 65 70 75 80

Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Met Asp
 85 90 95

Ile Gln Gln Ile Gln Lys Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Glu Gln Ile Xaa
 100 105 110

Ala Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala Ala Ala His His His His
 115 120 125

His His Gly Arg Ala Glu
 130

<210> 4
 <211> 156
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> sequence including variegated amino acids denoted as x

<220>
 <221> N-terminal
 <222> (1)..(23)

<220>
 <221> HRS1
 <222> (24)..(48)
 <223> x = any amino acid

<220>
 <221> L1

<222> (49)..(67)

<220>

<221> HSR2

<222> (68)..(92)

<220>

<221> L2

<222> (93)..(111)

<220>

<221> HSR3

<222> (112)..(136)

<223> x = any amino acid

<220>

<221> HSR3

<222> (112)..(136)

<223> Xaa = any amino acid

<220>

<221> C-terminal

<222> (137)..(156)

<223> x = any amino acid

<400> 4

Met Lys Tyr Leu Leu Pro Thr Ala Ala Ala Gly Leu Leu Leu Leu Ala
 1 5 10 15

Ala Gln Pro Ala Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Xaa Ile Ala
 20 25 30

Xaa Ile Gln Glu Xaa Ile Ala Xaa Ile Gln Lys Xaa Ile Tyr Xaa Met
 35 40 45

Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly
 50 55 60

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly
 85 90 95

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile
 100 105 110

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Glu Gln Ile Xaa Ala
 115 120 125

Ile Xaa Lys Gln Ile Xaa Ala Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala
 130 135 140

Ala Ala His His His His His His Gly Arg Ala Glu
 145 150 155

<210> 5

<211> 155
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Sequence including variegated amino acids denoted as x

<220>
 <221> N-terminal
 <222> (1)..(22)

<220>
 <221> HRS1
 <222> (23)..(47)

<220>
 <221> L1
 <222> (48)..(66)

<220>
 <221> HRS2
 <222> (67)..(91)

<220>
 <221> L2
 <222> (92)..(110)

<220>
 <221> HRS3
 <222> (111)..(135)
 <223> x= any amino acid

<220>
 <221> HRS3
 <222> (111)..(135)
 <223> Xaa = any amino acid

<220>
 <221> C-terminal
 <222> (136)..(155)
 <223> x= any amino acid

<400> 5

Met Lys Tyr Leu Leu Pro Thr Ala Ala Ala Gly Leu Leu Leu Leu Ala
 1 5 10 15

Ala Gln Pro Ala Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 20 25 30

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 35 40 45

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly
 50 55 60

Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 85 90 95

COMP-001_ST25.txt

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Met Ser Ile Glu
100 105 110

Glu Ile Gln Xaa Gln Ile Xaa Xaa Ile Gln Xaa Gln Ile Xaa Xaa Ile
115 120 125

Gln Xaa Gln Ile Xaa Xaa Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala Ala
130 135 140

Ala His His His His His His Gly Arg Ala Glu
145 150 155

<210> 6
<211> 140
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Sequence including variegated amino acids denoted as x

<220>
<221> N-terminal
<222> (1)..(23)

<220>
<221> HRS1
<222> (24)..(48)
<223> x = any amino acid

<220>
<221> L1
<222> (49)..(59)

<220>
<221> HRS2
<222> (60)..(84)

<220>
<221> L2
<222> (85)..(95)

<220>
<221> HRS3
<222> (96)..(120)
<223> x = any amino acid

<220>
<221> HRS3
<222> (96)..(120)
<223> Xaa = any amino acid

<220>
<221> C-terminal
<222> (121)..(140)

<400> 6

Met Lys Tyr Leu Leu Pro Thr Ala Ala Ala Gly Leu Leu Leu Leu Ala
1 5 10 15

Ala Gln Pro Ala Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Xaa Ile Ala
Page 7

Xaa Ile Gln Glu Xaa Ile Ala Xaa Ile Gln Lys Xaa Ile Tyr Ala Met
 35 40 45

Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 50 55 60

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile
 85 90 95

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Xaa Gln Ile Xaa Ala
 100 105 110

Ile Xaa Xaa Gln Ile Xaa Ala Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala
 115 120 125

Ala Ala His His His His His His Gly Arg Ala Glu
 130 135 140

<210> 7
 <211> 155
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> sequence including variegated amino acids denoted as x

<220>
 <221> N-terminal
 <222> (1)..(22)

<220>
 <221> HRS1
 <222> (23)..(47)

<220>
 <221> L1
 <222> (48)..(66)

<220>
 <221> HRS2
 <222> (67)..(91)
 <223> x = any amino acid

<220>
 <221> L2
 <222> (92)..(110)

<220>
 <221> HRS3
 <222> (111)..(135)
 <223> x = any amino acid

<220>
 <221> HRS3

<222> (111)..(135)

<223> Xaa = any amino acid

<220>

<221> C-terminal

<222> (136)..(155)

<400> 7

Met Lys Tyr Leu Leu Pro Thr Ala Ala Ala Gly Leu Leu Leu Leu Ala
 1 5 10 15

Ala Gln Pro Ala Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 20 25 30

Ile Gln Glu Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 35 40 45

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly
 50 55 60

Met Ser Ile Glu Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Xaa Ile Gln Xaa Xaa
 65 70 75 80

Ile Xaa Xaa Ile Gln Xaa Xaa Ile Xaa Xaa Met Thr Gly Ser Gly Gly
 85 90 95

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Met Ser Ile Glu
 100 105 110

Glu Ile Gln Lys Xaa Ile Ala Ala Ile Gln Glu Gln Ile Ala Ala Ile
 115 120 125

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro Gly Gly Ser Gly Gly Ala Ala
 130 135 140

Ala His His His His His His Gly Arg Ala Glu
 145 150 155

<210> 8

<211> 192

<212> PRT

<213> -

<400> 8

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Trp Ala Ile Gln Glu Trp Ile Ala
 1 5 10 15

Arg Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 35 40 45

Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly
 50 55 60

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg
 65 70 75 80

Ala Ile Ser Glu Gln Ile Val Ala Ile Met Leu Gln Ile Met Ala Met
 85 90 95

Thr Pro Gln Ile Gln Lys Trp Ala Ile Gln Glu Trp Ile Ala Arg Gln
 100 105 110

Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly
 115 120 125

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile
 130 135 140

Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly
 145 150 155 160

Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile
 165 170 175

Ser Glu Gln Ile Val Ala Ile Met Leu Gln Ile Met Ala Met Thr Pro
 180 185 190

<210> 9
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 9

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Arg Ile Gln Glu Val
 1 5 10 15

Ile Ala Lys Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Val Ala Ile Thr His Gln Ile Thr Ala Ile Ile Trp Gln Ile
 85 90 95

Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Arg Ile Gln Glu
 Page 10

100

105

110

Val Ile Ala Lys Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Val Ala Ile Thr His Gln Ile Thr Ala Ile Ile Trp Gln
 180 185 190

Ile Trp Ala Met Thr Pro
 195

<210> 10
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 10

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Phe Ile Gln Glu Thr
 1 5 10 15

Ile Ala Trp Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Ser Ala Ile Ala Arg Gln Ile Arg Ala Ile Leu Gly Gln Ile
 85 90 95

Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Phe Ile Gln Glu
 100 105 110

Thr Ile Ala Trp Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ala Arg Gln Ile Arg Ala Ile Leu Gly Gln
180 185 190

Ile Phe Ala Met Thr Pro
195

<210> 11
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 11

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Met Ile Gln Glu Tyr
1 5 10 15

Ile Ala Trp Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Arg Ala Ile Val Gly Gln Ile Met Ala Ile Leu Arg Gln Ile
85 90 95

Thr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Met Ile Gln Glu
100 105 110

Tyr Ile Ala Trp Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

COMP-001_ST25.txt

Lys Gln Ile Arg Ala Ile Val Gly Gln Ile Met Ala Ile Leu Arg Gln
180 185 190

Ile Thr Ala Met Thr Pro
195

<210> 12
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 12

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Asn Ile Gln Glu Leu
1 5 10 15

Ile Ala Cys Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Thr Ala Ile Ala Ser Gln Ile Tyr Ala Ile Val Ala Gln Ile
85 90 95

Thr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Asn Ile Gln Glu
100 105 110

Leu Ile Ala Cys Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Ser Gln Ile Tyr Ala Ile Val Ala Gln
180 185 190

Ile Thr Ala Met Thr Pro
195

<210> 13
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 13

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Leu Ile Gln Glu Trp
 1 5 10 15

Ile Ala Trp Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Leu Ala Ile Ser Leu Gln Ile Met Ala Ile Leu Glu Gln Ile
 85 90 95

Met Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Leu Ile Gln Glu
 100 105 110

Trp Ile Ala Trp Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Leu Ala Ile Ser Leu Gln Ile Met Ala Ile Leu Glu Gln
 180 185 190

Ile Met Ala Met Thr Pro
 195

<210> 14
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 14

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ile Ala Gly Ile Gln Glu Gly
 1 5 10 15

Ile Ala Ser Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30
 Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45
 Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60
 Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80
 Ile Ser Ala Ile Val Gln Gln Ile Met Ala Ile Phe Ala Gln Ile Thr
 85 90 95
 Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ile Ala Gly Ile Gln Glu Gly
 100 105 110
 Ile Ala Ser Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125
 Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140
 Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160
 Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 165 170 175
 Ile Ser Ala Ile Val Gln Gln Ile Met Ala Ile Phe Ala Gln Ile Thr
 180 185 190
 Ala Met Thr Pro
 195

<210> 15
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 15

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Pro Ile Gln Glu Ile
 1 5 10 15
 Ile Ala Lys Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30
 Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

COMP-001_ST25.txt

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Gly Ala Ile Ile Ser Gln Ile Gly Ala Ile Leu Gly Gln Ile
85 90 95

Tyr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Pro Ile Gln Glu
100 105 110

Ile Ile Ala Lys Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Gly Ala Ile Ile Ser Gln Ile Gly Ala Ile Leu Gly Gln
180 185 190

Ile Tyr Ala Met Thr Pro
195

<210> 16
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 16

Lys Thr Tyr Tyr Phe Lys Leu Gly Gly Ile Gly Trp Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Lys Ile Ala Thr Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Phe Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Leu Gly Gln
85 90 95

Ile Gly Ala Ile Ile Gly Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Lys Ile Ala Thr Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Phe
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Leu Gly
180 185 190

Gln Ile Gly Ala Ile Ile Gly Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 17
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 17

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Lys Ile Ala Val Ile Gln Glu Val
1 5 10 15

Ile Ala Gly Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ser Ala Ile Ile Ile Gln Ile Thr Ala Ile Val Lys Gln Ile
85 90 95

Met Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Lys Ile Ala Val Ile Gln Glu
100 105 110

Val Ile Ala Gly Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
Page 17

115

120

125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ile Ile Gln Ile Thr Ala Ile Val Lys Gln
 180 185 190

Ile Met Ala Met Thr Pro
 195

<210> 18
 <211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 18

Tyr Met Leu Ser Ala Ala Arg Phe Ile Asn Thr Gln Ile Gln Lys Tyr
 1 5 10 15

Ile Ala Met Ile Gln Glu Ile Ala Leu Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala
 20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 50 55 60

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Ala Arg Gln Ile Phe
 85 90 95

Ala Ile Ile Asn Gln Ile Thr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Tyr
 100 105 110

Ile Ala Met Ile Gln Glu Ile Ala Leu Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala
 115 120 125

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Ala Arg Gln Ile Phe
180 185 190

Ala Ile Ile Asn Gln Ile Thr Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 19
<211> 188
<212> PRT
<213> -

<400> 19

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu Ile Ala Asn
1 5 10 15

Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
35 40 45

Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly
50 55 60

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg
65 70 75 80

Ala Ile Glu Gln Ile Ala Ala Ile Phe Gln Ile Phe Ala Met Thr Pro
85 90 95

Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu Ile Ala Asn Ile Gln Lys Arg
100 105 110

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
115 120 125

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
145 150 155 160

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Glu Gln
165 170 175

Ile Ala Ala Ile Phe Gln Ile Phe Ala Met Thr Pro
180 185

COMP-001_ST25.txt

<210> 20
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 20

Arg Pro Cys Phe Leu Thr Gly Arg Met Phe Ile Trp Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Arg Ile Ala Pro Ile Gln Glu Cys Ile Ala Phe Ile Gln Lys Leu Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Gly Arg Gln
 85 90 95

Ile Met Ala Ile Phe Ile Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110

Lys Arg Ile Ala Pro Ile Gln Glu Cys Ile Ala Phe Ile Gln Lys Leu
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Gly Arg
 180 185 190

Gln Ile Met Ala Ile Phe Ile Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 21
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 21

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Arg Ile Gln Glu Pro
 Page 20

1 5 15
Ile Ala Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30
Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45
Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60
Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80
Ile Trp Ala Ile Ser Gln Gln Ile Thr Ala Ile Val Ile Gln Ile Phe
85 90 95
Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Arg Ile Gln Glu Pro
100 105 110
Ile Ala Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125
Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140
Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160
Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175
Ile Trp Ala Ile Ser Gln Gln Ile Thr Ala Ile Val Ile Gln Ile Phe
180 185 190
Ala Met Thr Pro
195

<210> 22
<211> 191
<212> PRT
<213> -

<400> 22

Trp Gln Trp Val Ser Leu Val Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu
1 5 10 15
Trp Ile Ala Gln Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30
Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Trp Ala Ile Val Ser Gln Ile Ala Ile Leu Val Gln Ile Ala
85 90 95

Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu Trp Ile Ala Gln
100 105 110

Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
130 135 140

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly
145 150 155 160

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Trp Ala
165 170 175

Ile Val Ser Gln Ile Ala Ile Leu Val Gln Ile Ala Met Thr Pro
180 185 190

<210> 23

<211> 196

<212> PRT

<213> -

<400> 23

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Tyr Ile Gln Glu Lys
1 5 10 15

Ile Ala Val Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ala Ile Gly Ser Gln Ile Thr Ala Ile Val Arg Gln Ile Leu
85 90 95

COMP-001_ST25.txt

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Tyr Ile Gln Glu Lys
100 105 110

Ile Ala Val Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
115 120 125

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
145 150 155 160

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
165 170 175

Gln Ile Ala Ile Gly Ser Gln Ile Thr Ala Ile Val Arg Gln Ile Leu
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 24
<211> 197
<212> PRT
<213> -

<400> 24

Arg Gly Arg Glu Ser Val Ile Gly Leu Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala
1 5 10 15

Gly Ile Gln Glu Arg Ile Ala Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
35 40 45

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr
50 55 60

Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln
65 70 75 80

Ile Gln Lys Gln Ile Glu Ala Ile Ser Gln Ile Val Ala Ile Ile Gly
85 90 95

Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Gly Ile
100 105 110

Gln Glu Arg Ile Ala Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Glu Ala Ile Ser Gln Ile Val Ala Ile Ile Gly Gln Ile
 180 185 190

Leu Ala Met Thr Pro
 195

<210> 25
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 25

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Ser Ile Gln Glu Val
 1 5 10 15

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Ala Ala Ile Gly Ser Gln Ile Ile Ala Ile Val Arg Gln Ile
 85 90 95

Arg Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Ser Ile Gln Glu
 100 105 110

Val Ile Ala Ala Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln

165

170

175

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gly Ser Gln Ile Ile Ala Ile Val Arg Gln
 180 185 190

Ile Arg Ala Met Thr Pro
 195

<210> 26
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 26

Thr Ala Cys Arg Ala Arg Val Ser Ser Leu Ile Gly Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Thr Ile Ala Ala Ile Gln Glu Cys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Ala Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Val Ser Gln
 85 90 95

Ile Ser Ala Ile Leu Ile Gln Ile Gly Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110

Lys Thr Ile Ala Ala Ile Gln Glu Cys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Ala
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Val Ser
 180 185 190

Gln Ile Ser Ala Ile Leu Ile Gln Ile Gly Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 27
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 27

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Arg Ile Gln Glu Val
 1 5 10 15

Ile Ala Ser Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Gly Ala Ile Val Thr Gln Ile Leu Ala Ile Ile Ser Gln Ile
 85 90 95

Thr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Arg Ile Gln Glu
 100 105 110

Val Ile Ala Ser Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Gly Ala Ile Val Thr Gln Ile Leu Ala Ile Ile Ser Gln
 180 185 190

Ile Thr Ala Met Thr Pro
 195

<210> 28
 <211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 28

Ser Arg Gly Pro Met Met Ala Gly Gly Leu Arg Gln Ile Gln Lys Ser
1 5 10 15

Ile Ala Arg Ile Gln Glu Gly Ile Ala Pro Ile Gln Lys Met Ile Tyr
20 25 30

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
50 55 60

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
65 70 75 80

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Met Ala Ile Ala Gly Gln Ile
85 90 95

Gly Ala Ile Leu Gln Ile Arg Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ser
100 105 110

Ile Ala Arg Ile Gln Glu Gly Ile Ala Pro Ile Gln Lys Met Ile Tyr
115 120 125

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
145 150 155 160

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
165 170 175

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Met Ala Ile Ala Gly Gln Ile
180 185 190

Gly Ala Ile Leu Gln Ile Arg Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 29
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 29

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Met Ile Ala Pro Ile Gln Glu Leu
1 5 10 15

Ile Ala Arg Ile Gln Lys Asp Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
Page 27

35

40

45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Gly Ala Ile Thr Arg Gln Ile Leu Ala Ile Leu Val Gln Ile
 85 90 95

Gly Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Met Ile Ala Pro Ile Gln Glu
 100 105 110

Leu Ile Ala Arg Ile Gln Lys Asp Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Gly Ala Ile Thr Arg Gln Ile Leu Ala Ile Leu Val Gln
 180 185 190

Ile Gly Ala Met Thr Pro
 195

<210> 30
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 30

Phe Ser Cys Arg Thr Lys Arg Thr Phe Phe Arg Tyr Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Cys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Thr Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

COMP-001_ST25.txt

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Arg Thr Gln
85 90 95

Ile Phe Ala Ile Phe Arg Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Cys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Thr
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Arg Thr
180 185 190

Gln Ile Phe Ala Ile Phe Arg Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 31
<211> 194
<212> PRT
<213> -

<400> 31

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Pro Ile Ala Leu Ile Gln Glu Ser
1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80

Ile Phe Ala Ile Arg Gln Ile Met Ala Ile Leu Arg Gln Ile Asn Ala
85 90 95

Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Pro Ile Ala Leu Ile Gln Glu Ser Ile
100 105 110

COMP-001_ST25.txt

Ala Ile Gln Lys Tyr Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
130 135 140

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser
145 150 155 160

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile
165 170 175

Phe Ala Ile Arg Gln Ile Met Ala Ile Leu Arg Gln Ile Asn Ala Met
180 185 190

Thr Pro

<210> 32
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 32

Tyr Arg Lys Tyr Met Ile Gly Ser Leu Leu Asp Tyr Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Tyr Ile Ala Arg Ile Gln Glu Lys Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Met Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ile Ala Ile Gly Ser Gln
85 90 95

Ile Leu Ala Ile Leu Asp Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Tyr Ile Ala Arg Ile Gln Glu Lys Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Met
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ile Ala Ile Gly Ser
180 185 190

Gln Ile Leu Ala Ile Leu Asp Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 33
<211> 198
<212> PRT
<213> -
<400> 33

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Val Ile Gln Glu Tyr
1 5 10 15

Ile Ala Leu Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Lys Ala Ile Ala Thr Gln Ile Ser Ala Ile Ile Arg Gln Ile
85 90 95

Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Val Ile Gln Glu
100 105 110

Tyr Ile Ala Leu Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Lys Ala Ile Ala Thr Gln Ile Ser Ala Ile Ile Arg Gln

180

185

190

Ile Phe Ala Met Thr Pro
195

<210> 34
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 34

Trp Gln Asn Asp Leu Pro Ala Tyr Leu Ile Arg Ser Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Trp Ile Ala Gln Ile Gln Glu Asn Ile Ala Asp Ile Gln Lys Leu Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Pro Ala Ile Ala Tyr Gln
85 90 95

Ile Leu Ala Ile Ile Arg Gln Ile Ser Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Trp Ile Ala Gln Ile Gln Glu Asn Ile Ala Asp Ile Gln Lys Leu
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Pro Ala Ile Ala Tyr
180 185 190

Gln Ile Leu Ala Ile Ile Arg Gln Ile Ser Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 35
<211> 196

<212> PRT

<213> -

<400> 35

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Trp Ile Ala Gly Ile Gln Glu Ala
 1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Arg Ala Ile Arg Ser Gln Ile Arg Ala Ile Leu Ser Gln Ile Ile
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Trp Ile Ala Gly Ile Gln Glu Ala
 100 105 110

Ile Ala Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 165 170 175

Ile Arg Ala Ile Arg Ser Gln Ile Arg Ala Ile Leu Ser Gln Ile Ile
 180 185 190

Ala Met Thr Pro
 195

<210> 36

<211> 198

<212> PRT

<213> -

<400> 36

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Arg Ile Gln Glu Ser
 1 5 10 15

Ile Ala Met Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ile Ala Ile Ala Lys Gln Ile Leu Ala Ile Val Ser Gln Ile
85 90 95

Lys Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Arg Ile Gln Glu
100 105 110

Ser Ile Ala Met Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Ile Ala Ile Ala Lys Gln Ile Leu Ala Ile Val Ser Gln
180 185 190

Ile Lys Ala Met Thr Pro
195

<210> 37
<211> 203
<212> PRT
<213> -

<400> 37

Leu Phe Gly Ser Ala Gly Asn Met Leu Gln Lys Gln Ile Gln Lys Leu
1 5 10 15

Ile Ala Phe Ile Gln Glu Gly Ile Ala Ser Ile Gln Lys Ile Tyr Ala
20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys

50

55

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gly Asn Gln Ile Met
85 90 95

Ala Ile Leu Gln Gln Ile Lys Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Leu
100 105 110

Ile Ala Phe Ile Gln Glu Gly Ile Ala Ser Ile Gln Lys Ile Tyr Ala
115 120 125

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gly Asn Gln Ile Met
180 185 190

Ala Ile Leu Gln Gln Ile Lys Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 38
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 38

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Arg Ile Gln Glu Gly
1 5 10 15

Ile Ala Val Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Arg Ala Ile Val Arg Gln Ile Thr Ala Ile Met Thr Gln Ile
85 90 95

COMP-001_ST25.txt

Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Arg Ile Gln Glu
100 105 110

Gly Ile Ala Val Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Arg Ala Ile Val Arg Gln Ile Thr Ala Ile Met Thr Gln
180 185 190

Ile Phe Ala Met Thr Pro
195

<210> 39
<211> 203
<212> PRT
<213> -

<400> 39

Ala Arg Ile Lys Val Ile Ala Ala Ile Pro Ile Gln Ile Gln Lys Ala
1 5 10 15

Ile Ala Arg Ile Gln Glu Ile Ala Ile Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala
20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
50 55 60

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Val Ala Ile Ile Ala Gln Ile Ala
85 90 95

Ala Ile Ile Pro Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ala
100 105 110

Ile Ala Arg Ile Gln Glu Ile Ala Ile Ile Gln Lys Lys Ile Tyr Ala
115 120 125

COMP-001_ST25.txt

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Val Ala Ile Ile Ala Gln Ile Ala
180 185 190

Ala Ile Ile Pro Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 40
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 40

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Pro Ile Gln Glu Met
1 5 10 15

Ile Ala Ser Ile Gln Lys Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Met Ala Ile Ala Phe Gln Ile Phe Ala Ile Met Arg Gln Ile
85 90 95

Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Pro Ile Gln Glu
100 105 110

Met Ile Ala Ser Ile Gln Lys Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Met Ala Ile Ala Phe Gln Ile Phe Ala Ile Met Arg Gln
 180 185 190

Ile Leu Ala Met Thr Pro
 195

<210> 41
 <211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 41

Pro Arg Trp Arg Glu Thr Gly Val Val Phe Tyr Gln Ile Gln Lys Pro
 1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Glu Arg Ile Ala Trp Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala
 20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 50 55 60

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Glu Ala Ile Thr Gly Gln Ile Val
 85 90 95

Ala Ile Val Phe Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Pro
 100 105 110

Ile Ala Ile Gln Glu Arg Ile Ala Trp Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala
 115 120 125

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Glu Ala Ile Thr Gly Gln Ile Val
 180 185 190

Ala Ile Val Phe Gln Ile Tyr Ala Met Thr Pro
 Page 38

195

200

<210> 42
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 42

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Lys Ile Gln Glu Phe Ile
 1 5 10 15

Ala Arg Ile Gln Lys Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Cys Ala Ile Ala Val Gln Ile Asp Ala Ile Leu Gly Gln Ile Leu
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ala Lys Ile Gln Glu Phe Ile
 100 105 110

Ala Arg Ile Gln Lys Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 165 170 175

Ile Cys Ala Ile Ala Val Gln Ile Asp Ala Ile Leu Gly Gln Ile Leu
 180 185 190

Ala Met Thr Pro
 195

<210> 43
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 43

COMP-001_ST25.txt

Phe Pro Tyr Ala Ile Ala Ala Ser Lys Val Thr Val Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Phe Ile Ala Pro Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Ala Ile Gln Lys Ile Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Ala Ser Gln
85 90 95

Ile Lys Ala Ile Val Thr Gln Ile Val Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Phe Ile Ala Pro Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Ala Ile Gln Lys Ile
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Ala Ser
180 185 190

Gln Ile Lys Ala Ile Val Thr Gln Ile Val Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 44
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 44

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ile Ala Gly Ile Gln Glu Ile
1 5 10 15

Ala Leu Ile Gln Lys Ala Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Tyr Ala Ile Gly Leu Gln Ile Leu Ala Ile Met Asn Gln Ile Trp
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ile Ala Gly Ile Gln Glu Ile
 100 105 110

Ala Leu Ile Gln Lys Ala Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 165 170 175

Ile Tyr Ala Ile Gly Leu Gln Ile Leu Ala Ile Met Asn Gln Ile Trp
 180 185 190

Ala Met Thr Pro
 195

<210> 45
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 45

Phe Ser Ser Arg Ser Thr Ala Arg Val Ile Val Thr Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Ser Ile Ala Arg Ile Gln Lys Ser Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 Page 41

65 70 80
Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Arg Gln
85 90 95
Ile Val Ala Ile Ile Val Gln Ile Thr Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110
Lys Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Ser Ile Ala Arg Ile Gln Lys Ser
115 120 125
Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140
Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160
Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175
Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Arg
180 185 190
Gln Ile Val Ala Ile Ile Val Gln Ile Thr Ala Met Thr Pro
195 200 205
<210> 46
<211> 194
<212> PRT
<213> -
<400> 46
Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Ala Ile Gln Glu Tyr
1 5 10 15
Ile Ala Thr Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30
Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45
Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser
50 55 60
Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile
65 70 75 80
Gly Ala Ile Ala Tyr Gln Ile Ile Ala Ile Val Asn Gln Ile Lys Ala
85 90 95
Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Ala Ile Gln Glu Tyr Ile
100 105 110

Ala Thr Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 115 120 125
 Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Lys
 130 135 140
 Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly
 145 150 155 160
 Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Gly
 165 170 175
 Ala Ile Ala Tyr Gln Ile Ile Ala Ile Val Asn Gln Ile Lys Ala Met
 180 185 190

Thr Pro

<210> 47
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 47

Gly Ile Thr Tyr Ser Thr Ala Arg Thr Ile Ala Phe Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15
 Gly Ile Ala Ile Ile Gln Glu Thr Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Ser Ile
 20 25 30
 Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45
 Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60
 Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80
 Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Arg Gln
 85 90 95
 Ile Thr Ala Ile Ile Ala Gln Ile Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110
 Lys Gly Ile Ala Ile Ile Gln Glu Thr Ile Ala Tyr Ile Gln Lys Ser
 115 120 125
 Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

COMP-001_ST25.txt

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Arg
180 185 190

Gln Ile Thr Ala Ile Ile Ala Gln Ile Phe Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 48
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 48

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Ile Gln Glu Pro Ile
1 5 10 15

Ala Ile Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80

Ile Lys Ala Ile Thr Ser Gln Ile Ser Ala Ile Met Ser Gln Ile Trp
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Thr Ile Ala Ile Gln Glu Pro Ile
100 105 110

Ala Ile Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Lys Ala Ile Thr Ser Gln Ile Ser Ala Ile Met Ser Gln Ile Trp
 180 185 190

Ala Met Thr Pro
 195

<210> 49
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 49

Val Pro Tyr Ile Tyr Ser Met Arg Tyr Ile Ser Gln Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Val Ile Ala Pro Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Ile Ile Gln Lys Tyr Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ser Ala Ile Met Arg Gln
 85 90 95

Ile Tyr Ala Ile Ile Ser Gln Ile Gln Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110

Lys Val Ile Ala Pro Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Ile Ile Gln Lys Tyr
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ser Ala Ile Met Arg
 180 185 190

Gln Ile Tyr Ala Ile Ile Ser Gln Ile Gln Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 50

<211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 50

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Ser Ile Gln Glu Tyr
 1 5 10 15

Ile Ala Thr Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Ser Ala Ile Met Ile Gln Ile Asn Ala Ile Leu Gly Gln Ile
 85 90 95

Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Ser Ile Gln Glu
 100 105 110

Tyr Ile Ala Thr Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Ser Ala Ile Met Ile Gln Ile Asn Ala Ile Leu Gly Gln
 180 185 190

Ile Phe Ala Met Thr Pro
 195

<210> 51
 <211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 51

Gly Val Thr Ile Leu Ala Gln His Val Ser Val Gln Ile Gln Lys Gly
 1 5 10 15

COMP-001_ST25.txt

Ile Ala Val Ile Gln Glu Thr Ile Ala Ile Gln Lys Ile Ile Tyr Ala
20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
50 55 60

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Leu Ala Ile Ala Gln Gln Ile His
85 90 95

Ala Ile Val Ser Gln Ile Val Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly
100 105 110

Ile Ala Val Ile Gln Glu Thr Ile Ala Ile Gln Lys Ile Ile Tyr Ala
115 120 125

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Leu Ala Ile Ala Gln Gln Ile His
180 185 190

Ala Ile Val Ser Gln Ile Val Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 52
<211> 190
<212> PRT
<213> -

<400> 52

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu Ala Ile Ala
1 5 10 15

Ile Gln Lys Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
35 40 45

Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly
 50 55 60

Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 65 70 75 80

Ile Trp Glu Gln Ile Ala Ala Ile Leu Lys Gln Ile Val Ala Met Thr
 85 90 95

Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Glu Ala Ile Ala Ile Gln Lys
 100 105 110

Val Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser
 115 120 125

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly
 145 150 155 160

Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile Trp Glu
 165 170 175

Gln Ile Ala Ala Ile Leu Lys Gln Ile Val Ala Met Thr Pro
 180 185 190

<210> 53
 <211> 192
 <212> PRT
 <213> -

<400> 53

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Tyr Ile Gln Glu Ala
 1 5 10 15

Ile Ala Arg Ile Gln Lys Trp Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Gly Ala Ile Met Gln Ile Leu Ala Ile Phe Gln Ile Ala Met
 85 90 95

Thr Pro Gln Ile Gln Lys Arg Ile Ala Tyr Ile Gln Glu Ala Ile Ala
 Page 48

100

105

110

Arg Ile Gln Lys Trp Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
 130 135 140

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser
 145 150 155 160

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile
 165 170 175

Gly Ala Ile Met Gln Ile Leu Ala Ile Phe Gln Ile Ala Met Thr Pro
 180 185 190

<210> 54
 <211> 206
 <212> PRT
 <213> -

<400> 54

Lys Gly Val Leu Phe Arg Ser Ser Gln Val Leu Leu Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Lys Ile Ala Gly Ile Gln Glu Val Ile Ala Leu Ile Gln Lys Phe Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
 35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Ser Ser Gln
 85 90 95

Ile Gln Ala Ile Val Leu Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110

Lys Lys Ile Ala Gly Ile Gln Glu Val Ile Ala Leu Ile Gln Lys Phe
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

COMP-001_ST25.txt

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Ser Ser
180 185 190

Gln Ile Gln Ala Ile Val Leu Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 55
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 55

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Ala Ile Gln Glu Tyr
1 5 10 15

Ile Ala Thr Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80

Ile Gly Ala Ile Ala Tyr Gln Ile Ile Ala Ile Val Asn Gln Ile Lys
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Ala Ile Gln Glu Tyr
100 105 110

Ile Ala Thr Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Gly Ala Ile Ala Tyr Gln Ile Ile Ala Ile Val Asn Gln Ile Lys
180 185 190

COMP-001_ST25.txt

Ala Met Thr Pro
195

<210> 56
<211> 200
<212> PRT
<213> -

<400> 56

Gly Pro Pro Leu Ala Asn Arg Ile Asn Met Gln Ile Gln Lys Gly Ile
1 5 10 15

Ala Pro Ile Gln Glu Pro Ile Ala Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met
20 25 30

Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
35 40 45

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
50 55 60

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile
65 70 75 80

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile Ala Asn Gln Ile Arg Ala Ile
85 90 95

Ile Asn Gln Ile Met Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala
100 105 110

Pro Ile Gln Glu Pro Ile Ala Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
130 135 140

Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile
145 150 155 160

Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu
165 170 175

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile Ala Asn Gln Ile Arg Ala Ile Ile
180 185 190

Asn Gln Ile Met Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 57
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 57

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ala Ile Ala Lys Ile Gln Glu Thr
1 5 10 15

Ile Ala Phe Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Thr Ala Ile Ala Gly Gln Ile Tyr Ala Ile Leu Gln Gln Ile
85 90 95

Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ala Ile Ala Lys Ile Gln Glu
100 105 110

Thr Ile Ala Phe Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Thr Ala Ile Ala Gly Gln Ile Tyr Ala Ile Leu Gln Gln
180 185 190

Ile Phe Ala Met Thr Pro
195

<210> 58

<211> 188

<212> PRT

<213> -

<400> 58

Gly Trp Pro Arg Ser Ile Asp Phe Ala Ile Ile Lys Ile Ala Gly Ile
1 5 10 15

Gln Glu Trp Ile Ala Pro Ile Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 35 40 45

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Ser Ala Ile Ile Asp Gln Ile Ala Ile Phe Ala Gln Ile Ile Ala
 85 90 95

Met Thr Pro Ile Lys Ile Ala Gly Ile Gln Glu Trp Ile Ala Pro Ile
 100 105 110

Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly
 115 120 125

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 145 150 155 160

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ile Asp Gln
 165 170 175

Ile Ala Ile Phe Ala Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro
 180 185

<210> 59
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 59

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Gly Ile Gln Glu Trp Ile
 1 5 10 15

Ala Pro Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

COMP-001_ST25.txt

Ile Ser Ala Ile Ile Asp Gln Ile Arg Ala Ile Phe Ala Gln Ile Ile
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ala Gly Ile Gln Glu Trp Ile
100 105 110

Ala Pro Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Ser Ala Ile Ile Asp Gln Ile Arg Ala Ile Phe Ala Gln Ile Ile
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 60
<211> 191
<212> PRT
<213> -

<400> 60

Trp Tyr Ala Thr Leu Val Val Gln Ile Gln Lys Ile Ala Trp Ile Gln
1 5 10 15

Glu Tyr Ile Ala Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ala Ile Ala Thr Gln Ile Leu Ala Ile Val Gln Ile Val Ala
85 90 95

Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Ile Ala Trp Ile Gln Glu Tyr Ile Ala
100 105 110

Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln
 130 135 140

Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly
 145 150 155 160

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile
 165 170 175

Ala Thr Gln Ile Leu Ala Ile Val Gln Ile Val Ala Met Thr Pro
 180 185 190

<210> 61
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 61

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Met Ile Gln Glu Val
 1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Arg Ala Ile Arg Glu Gln Ile Lys Ala Ile Leu His Gln Ile Thr
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Phe Ile Ala Met Ile Gln Glu Val
 100 105 110

Ile Ala Ile Gln Lys Asn Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln

165

170

175

Ile Arg Ala Ile Arg Glu Gln Ile Lys Ala Ile Leu His Gln Ile Thr
 180 185 190

Ala Met Thr Pro
 195

<210> 62
 <211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 62

Arg Pro Asn Arg Glu Thr Asn Trp Ile Thr Trp Gln Ile Gln Lys Arg
 1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Glu Pro Ile Ala Asn Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala
 20 25 30

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 50 55 60

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 65 70 75 80

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Glu Ala Ile Thr Asn Gln Ile Trp
 85 90 95

Ala Ile Ile Thr Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Arg
 100 105 110

Ile Ala Ile Gln Glu Pro Ile Ala Asn Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala
 115 120 125

Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys
 145 150 155 160

Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 165 170 175

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Glu Ala Ile Thr Asn Gln Ile Trp
 180 185 190

Ala Ile Ile Thr Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro
 195 200

<210> 63
 <211> 178
 <212> PRT
 <213> -

<400> 63

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Ile Gln Glu Tyr Ile
 1 5 10 15

Ala Gly Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser
 20 25 30

Gly Gly Gly Ile Glu Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Lys Gln Ile
 35 40 45

Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Gly Gly Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Glu Gln Ile Lys Gln Ile Arg Ala Ile Thr Ser Gln Ile
 65 70 75 80

Trp Ala Ile Ile Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val
 85 90 95

Ile Ala Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Gly Ile Gln Lys Ile Tyr Ala Met
 100 105 110

Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ile Glu Ile Gln Lys Gln
 115 120 125

Ile Ala Ala Ile Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala
 130 135 140

Met Thr Gly Gly Gly Gly Gly Ser Gly Ser Glu Gln Ile Lys Gln Ile
 145 150 155 160

Arg Ala Ile Thr Ser Gln Ile Trp Ala Ile Ile Gln Ile Ile Ala Met
 165 170 175

Thr Pro

<210> 64
 <211> 185
 <212> PRT
 <213> -

<400> 64

Tyr Thr Leu Ser Ile Leu Pro Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Ile Gln
 1 5 10 15

Glu Thr Ile Ala Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
20 25 30

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile
65 70 75 80

Ser Ala Ile Ile Gln Ile Ala Ile Leu Gln Ile Pro Ala Met Thr Pro
85 90 95

Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Ile Gln Glu Thr Ile Ala Ile Gln Lys
100 105 110

Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser
115 120 125

Ile Glu Gln Ile Gln Lys Ile Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Ser Gly Gly
145 150 155 160

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ile Gln Ile Ala
165 170 175

Ile Leu Gln Ile Pro Ala Met Thr Pro
180 185

<210> 65
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 65

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Gln Ile Gln Glu Ile
1 5 10 15

Ala Met Ile Gln Lys Ala Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln

Lys Trp Ile Ala Leu Ile Gln Glu Lys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Asp
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Asn Ala Ile Ala Gly
 180 185 190

Gln Ile Leu Ala Ile Ala Thr Gln Ile Met Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 67

<211> 196

<212> PRT

<213> -

<400> 67

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Ser Ile Gln Glu Arg
 1 5 10 15

Ile Ala Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Gly Ala Ile Met Leu Gln Ile Met Ala Ile Ile Arg Gln Ile Pro
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Ser Ile Gln Glu Arg
 100 105 110

Ile Ala Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

COMP-001_ST25.txt

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Gly Ala Ile Met Leu Gln Ile Met Ala Ile Ile Arg Gln Ile Pro
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 68
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 68

Arg Gly Tyr Lys Ser Ser Ser Arg Val Val Ser Leu Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Arg Ile Ala Gly Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Lys Ile Gln Lys Ser Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ser Arg Gln
85 90 95

Ile Val Ala Ile Val Ser Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Arg Ile Ala Gly Ile Gln Glu Tyr Ile Ala Lys Ile Gln Lys Ser
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ser Arg
180 185 190

Gln Ile Val Ala Ile Val Ser Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 69
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 69

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Asn Ile Ala Pro Ile Gln Glu Val
1 5 10 15

Ile Ala Arg Ile Gln Lys Cys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ala Ile Ser Ser Gln Ile Arg Ala Ile Leu Thr Gln Ile Leu
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Asn Ile Ala Pro Ile Gln Glu Val
100 105 110

Ile Ala Arg Ile Gln Lys Cys Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
115 120 125

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
145 150 155 160

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
165 170 175

Gln Ile Ala Ile Ser Ser Gln Ile Arg Ala Ile Leu Thr Gln Ile Leu
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 70

<211> 203
 <212> PRT
 <213> -

<400> 70

Thr Trp Ser Asn Gly Arg Gly Ile Val Glu Trp Gln Ile Gln Lys Thr
 1 5 10 15

Ile Ala Trp Ile Gln Glu Ser Ile Ala Asn Ile Gln Lys Gly Ile Tyr
 20 25 30

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
 50 55 60

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
 65 70 75 80

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Gly Gln Ile Ile
 85 90 95

Ala Ile Val Glu Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Thr
 100 105 110

Ile Ala Trp Ile Gln Glu Ser Ile Ala Asn Ile Gln Lys Gly Ile Tyr
 115 120 125

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
 130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
 145 150 155 160

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
 165 170 175

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Arg Ala Ile Gly Gln Ile Ile
 180 185 190

Ala Ile Val Glu Gln Ile Trp Ala Met Thr Pro
 195 200

<210> 71
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 71

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Arg Ile Gln Glu Pro
 1 5 10 15

COMP-001_ST25.txt

Ile Ala Val Ile Gln Lys Met Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30
Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45
Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60
Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80
Gln Ile Ser Ala Ile Arg Ser Gln Ile Leu Ala Ile Ile Arg Gln Ile
85 90 95
Phe Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Arg Ile Gln Glu
100 105 110
Pro Ile Ala Val Ile Gln Lys Met Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125
Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
130 135 140
Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160
Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175
Lys Gln Ile Ser Ala Ile Arg Ser Gln Ile Leu Ala Ile Ile Arg Gln
180 185 190
Ile Phe Ala Met Thr Pro
195

<210> 72
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 72

Thr Lys Arg Trp Val Lys Ser Tyr Ile Met Arg Leu Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15
Thr Ile Ala Lys Ile Gln Glu Arg Ile Ala Trp Ile Gln Lys Val Ile
20 25 30
Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
 65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Ser Tyr Gln
 85 90 95

Ile Ile Ala Ile Met Arg Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
 100 105 110

Lys Thr Ile Ala Lys Ile Gln Glu Arg Ile Ala Trp Ile Gln Lys Val
 115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Lys Ala Ile Ser Tyr
 180 185 190

Gln Ile Ile Ala Ile Met Arg Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 73
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 73

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys His Ile Ala Ile Gln Glu Lys Ile
 1 5 10 15

Ala Trp Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Ser Ala Ile Ile Gly Gln Ile Tyr Ala Ile Ala Ser Gln Ile Met
 Page 65

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys His Ile Ala Ile Gln Glu Lys Ile
100 105 110

Ala Trp Ile Gln Lys Leu Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Ser Ala Ile Ile Gly Gln Ile Tyr Ala Ile Ala Ser Gln Ile Met
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 74
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 74

Val Trp Ser Ser Arg Gln Ala Asn Thr Val Arg Ile Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Val Ile Ala Trp Ile Gln Glu Ser Ile Ala Ser Ile Gln Lys Arg Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Gln Ala Ile Ala Asn Gln
85 90 95

Ile Thr Ala Ile Val Arg Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Val Ile Ala Trp Ile Gln Glu Ser Ile Ala Ser Ile Gln Lys Arg
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
 130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
 165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Gln Ala Ile Ala Asn
 180 185 190

Gln Ile Thr Ala Ile Val Arg Gln Ile Ile Ala Met Thr Pro
 195 200 205

<210> 75
 <211> 196
 <212> PRT
 <213> -

<400> 75

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Ile Gln Glu Tyr Ile
 1 5 10 15

Ala Trp Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
 65 70 75 80

Ile Arg Ala Ile Ala Met Gln Ile Glu Ala Ile Ile Thr Gln Ile Arg
 85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Val Ile Ala Ile Gln Glu Tyr Ile
 100 105 110

Ala Trp Ile Gln Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
 115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
 130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
 145 150 155 160

COMP-001_ST25.txt

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Arg Ala Ile Ala Met Gln Ile Glu Ala Ile Ile Thr Gln Ile Arg
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 76

<211> 172

<212> PRT

<213> -

<400> 76

Gly Ala Met Ser Thr Thr Ser Leu Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Ala
1 5 10 15

Ile Gln Ile Ala Met Ile Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
20 25 30

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Ile Ala Ile Gln
35 40 45

Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly
50 55 60

Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Ile Lys Gln Ile Thr Ala Ile Thr
65 70 75 80

Gln Ile Ala Ile Ser Gln Ile Leu Met Thr Gln Ile Gln Lys Gly Ile
85 90 95

Ala Ala Ile Gln Ile Ala Met Ile Lys Ser Ile Tyr Ala Met Thr Gly
100 105 110

Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Ile Ala
115 120 125

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
130 135 140

Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Ile Lys Gln Ile Thr Ala
145 150 155 160

Ile Thr Gln Ile Ala Ile Ser Gln Ile Leu Met Thr
165 170

<210> 77

<211> 198

<212> PRT

<213> -

<400> 77

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Cys Ile Ala Phe Ile Gln Glu Arg
 1 5 10 15

Ile Ala Gly Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Phe Ala Ile Gly Lys Gln Ile Phe Ala Ile Val Lys Gln Ile
 85 90 95

Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Cys Ile Ala Phe Ile Gln Glu
 100 105 110

Arg Ile Ala Gly Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Phe Ala Ile Gly Lys Gln Ile Phe Ala Ile Val Lys Gln
 180 185 190

Ile Leu Ala Met Thr Pro
 195

<210> 78

<211> 206

<212> PRT

<213> -

<400> 78

Pro Ala Lys Arg Arg Met Asn Arg Leu Leu Arg Leu Gln Ile Gln Lys
 1 5 10 15

Pro Ile Ala Ala Ile Gln Glu Lys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Arg Ile
 20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Met Ala Ile Asn Arg Gln
85 90 95

Ile Leu Ala Ile Leu Arg Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Pro Ile Ala Ala Ile Gln Glu Lys Ile Ala Arg Ile Gln Lys Arg
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Met Ala Ile Asn Arg
180 185 190

Gln Ile Leu Ala Ile Leu Arg Gln Ile Leu Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 79
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 79

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Ile Gln Glu Lys Ile
1 5 10 15

Ala Trp Ile Gln Lys Met Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

COMP-001_ST25.txt

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80

Ile Val Ala Ile Ser Phe Gln Ile Trp Ala Ile Val Arg Gln Ile Thr
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Tyr Ile Ala Ile Gln Glu Lys Ile
100 105 110

Ala Trp Ile Gln Lys Met Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Val Ala Ile Ser Phe Gln Ile Trp Ala Ile Val Arg Gln Ile Thr
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 80
<211> 206
<212> PRT
<213> -

<400> 80

Phe Ser Cys Ser Val Gly Ala Ala Ile Val Glu Val Gln Ile Gln Lys
1 5 10 15

Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Cys Ile Ala Ser Ile Gln Lys Val Ile
20 25 30

Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu
35 40 45

Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
50 55 60

Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly
65 70 75 80

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Gly Ala Ile Ala Ala Gln
85 90 95

Ile Ile Ala Ile Val Glu Gln Ile Val Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln
100 105 110

Lys Phe Ile Ala Ser Ile Gln Glu Cys Ile Ala Ser Ile Gln Lys Val
115 120 125

Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile
130 135 140

Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
145 150 155 160

Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser
165 170 175

Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Gly Ala Ile Ala Ala
180 185 190

Gln Ile Ile Ala Ile Val Glu Gln Ile Val Ala Met Thr Pro
195 200 205

<210> 81
<211> 198
<212> PRT
<213> -

<400> 81

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Lys Ile Ala Tyr Ile Gln Glu Met
1 5 10 15

Ile Ala Leu Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Ser Ala Ile Ala Ala Gln Ile Ser Ala Ile Ile Lys Gln Ile
85 90 95

Met Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Lys Ile Ala Tyr Ile Gln Glu
100 105 110

Met Ile Ala Leu Ile Gln Lys Gly Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala

130

135

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
165 170 175

Lys Gln Ile Ser Ala Ile Ala Ala Gln Ile Ser Ala Ile Ile Lys Gln
180 185 190

Ile Met Ala Met Thr Pro
195

<210> 82
<211> 203
<212> PRT
<213> -

<400> 82

Asn Trp Arg Met Leu Ile Tyr Val Ile Arg Pro Gln Ile Gln Lys Asn
1 5 10 15

Ile Ala Trp Ile Gln Glu Arg Ile Ala Met Ile Gln Lys Leu Ile Tyr
20 25 30

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
50 55 60

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
65 70 75 80

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile Ile Tyr Gln Ile Val
85 90 95

Ala Ile Ile Arg Gln Ile Pro Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Asn
100 105 110

Ile Ala Trp Ile Gln Glu Arg Ile Ala Met Ile Gln Lys Leu Ile Tyr
115 120 125

Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln
130 135 140

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln
145 150 155 160

Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly
165 170 175

COMP-001_ST25.txt

Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ile Ile Tyr Gln Ile Val
180 185 190

Ala Ile Ile Arg Gln Ile Pro Ala Met Thr Pro
195 200

<210> 83
<211> 196
<212> PRT
<213> -

<400> 83

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Arg Ile Gln Glu Ile
1 5 10 15

Ala Leu Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
20 25 30

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
35 40 45

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
50 55 60

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
65 70 75 80

Ile Val Ala Ile Met Tyr Gln Ile Tyr Ala Ile Ile Lys Gln Ile Trp
85 90 95

Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Leu Ile Ala Arg Ile Gln Glu Ile
100 105 110

Ala Leu Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly Gly
115 120 125

Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile
130 135 140

Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr Gly
145 150 155 160

Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln
165 170 175

Ile Val Ala Ile Met Tyr Gln Ile Tyr Ala Ile Ile Lys Gln Ile Trp
180 185 190

Ala Met Thr Pro
195

<210> 84
 <211> 198
 <212> PRT
 <213> -

<400> 84

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Ala Ile Gln Glu Trp
 1 5 10 15

Ile Ala Thr Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
 20 25 30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
 35 40 45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
 50 55 60

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
 65 70 75 80

Gln Ile Arg Ala Ile Thr Ile Gln Ile Ile Ala Ile Ile Gln Gln Ile
 85 90 95

Trp Ala Met Thr Pro Gln Ile Gln Lys Gly Ile Ala Ala Ile Gln Glu
 100 105 110

Trp Ile Ala Thr Ile Gln Lys Arg Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser
 115 120 125

Gly Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala
 130 135 140

Ala Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met
 145 150 155 160

Thr Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln
 165 170 175

Lys Gln Ile Arg Ala Ile Thr Ile Gln Ile Ile Ala Ile Ile Gln Gln
 180 185 190

Ile Trp Ala Met Thr Pro
 195

<210> 85
 <211> 101
 <212> PRT
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> sequence with variations indicated as Xaa

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(9)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (12)..(12)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (16)..(16)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (19)..(19)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (23)..(23)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (83)..(83)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (86)..(87)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (90)..(90)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (93)..(94)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<220>
<221> misc_feature
<222> (97)..(97)
<223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

<400> 85

Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Xaa Ile Ala Xaa Ile Gln Glu Xaa
1          5          10          15

Ile Ala Xaa Ile Gln Lys Xaa Ile Tyr Ala Met Thr Gly Gly Ser Gly
          20          25          30

Gly Ser Gly Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala
          35          40          45

Ile Gln Lys Gln Ile Ala Ala Ile Gln Lys Gln Ile Tyr Ala Met Thr
          50          55          60

```

COMP-001_ST25.txt

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Ser Ile Glu Gln Ile Gln Lys
65 70 75 80

Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Xaa Gln Ile Xaa Ala Ile Xaa Xaa Gln Ile
85 90 95

Xaa Ala Met Thr Pro
100