

SEQUENCE LISTING

<110> F. Hoffmann-La Roche AG

<120> Determination of immunoglobulin encoding nucleic acid

<130> 25435 WO

<150> EP 08018698.4

<151> 2008-10-23

<160> 47

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 13

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VH CDR3

<400> 1

Leu Thr His Tyr Ala Arg Tyr Tyr Arg Tyr Phe Asp Val
1 5 10

<210> 2

<211> 17

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VH CDR3

<400> 2

Gly Lys Gly Asn Thr His Lys Pro Tyr Gly Tyr Val Arg Tyr Phe Asp
1 5 10 15

Val

<210> 3

<211> 15

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VH CDR3

<400> 3

Leu	Leu	Ser	Arg	Gly	Tyr	Asn	Gly	Tyr	Tyr	His	Lys	Phe	Asp	Val
1				5					10					15

<210> 4

<211> 8

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VL-CDR3

<400> 4

Gln	Gln	Val	Tyr	Asn	Pro	Pro	Val
1				5			

<210> 5

<211> 8

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VL-CDR3

<400> 5

Phe	Gln	Leu	Tyr	Ser	Asp	Pro	Phe
1				5			

<210> 6

<211> 8

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VL-CDR3

<400> 6

Gln	Gln	Leu	Ser	Ser	Phe	Pro	Pro
1				5			

<210> 7

<211> 122

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VH

<400> 7

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15
Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30
Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45
Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60
Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80
Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95
Ala Arg Leu Thr His Tyr Ala Arg Tyr Tyr Arg Tyr Phe Asp Val Trp
100 105 110
Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 8
<211> 126
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> VH

<400> 8

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15
Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30
Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Gly Lys Gly Asn Thr His Lys Pro Tyr Gly Tyr Val Arg Tyr
100 105 110

Phe Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120 125

<210> 9
<211> 124
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> VH

<400> 9

Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
20 25 30

Ala Met Ser Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ser Ala Ile Ser Gly Ser Gly Gly Ser Thr Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Leu Leu Ser Arg Gly Tyr Asn Gly Tyr Tyr His Lys Phe Asp
100 105 110

Val Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
115 120

<210> 10
<211> 110
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> VL

<400> 10

Asp Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Val Tyr Asn Pro Pro
85 90 95

Val Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr
100 105 110

<210> 11
<211> 110
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> VL

<400> 11

Asp Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Phe Gln Leu Tyr Ser Asp Pro
85 90 95

Phe Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr
100 105 110

<210> 12

<211> 110

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> VL

<400> 12

Asp Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Ser
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Gly Ala Ser Ser Arg Ala Thr Gly Val Pro Ala Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Leu Ser Ser Phe Pro
85 90 95

Pro Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys Arg Thr
100 105 110

<210> 13
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #37

<400> 13
caggagagtg tcacagagc 19

<210> 14
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #38

<400> 14
ctctttgtga cgggagcag 18

<210> 15
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #62

<400> 15
ctccctcagc agcgtggtg 19

<210> 16
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> primer #63

<400> 16

gctcacgtcc accaccac

18

<210> 17

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #64

<400> 17

gcattatgca cctccacgc

19

<210> 18

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #65

<400> 18

gcggctttgt cttggcatta t

21

<210> 19

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #66

<400> 19

gcgtcctcac cgtcctgc

18

<210> 20

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #67

<400> 20

caagtgaag gtctccaaca aag

23

<210> 21

<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #68

<400> 21
ccattgctct cccactccac 20

<210> 22
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #131

<400> 22
ctggtgtgtg cctgctgaat 20

<210> 23
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #132

<400> 23
gacttcgcag gcgtagactt 20

<210> 24
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #133

<400> 24
tcacagagca ggacagcaag 20

<210> 25
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #134

<400> 25
tgctttgctc agcgtcag 18

<210> 26
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #139

<400> 26
ctggaactgc ctctgttggtg 20

<210> 27
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #145

<400> 27
tgacgctgag caaagcagac 20

<210> 28
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #146

<400> 28
caggccctga tgggtgac 18

<210> 29
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> FAM-primer #147-TAMRA

<400> 29
acgagaaaca caaagtctac gcctgcga 28

<210> 30
<211> 24
<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #148

<400> 30

caaaggcaca gtcaaggctg agaa

24

<210> 31

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer #149

<400> 31

tggtgaagac gccagtagat tcca

24

<210> 32

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FAM-primer #165-BHQ1

<400> 32

cctccaatcg ggtaactccc agga

24

<210> 33

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FAM-primer #166-BHQ1

<400> 33

agcacctaca gcctcagcag cacc

24

<210> 34

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> IRD700-primer #167-BHQ3

<400> 34

atcacaagcc cagcaacacc aagg

24

<210> 35
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> IRD700-primer #168-BHQ3

<400> 35
atctccaaag ccaaagggca gcc 23

<210> 36
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #169

<400> 36
attgtggaag gactcatgac c 21

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #170

<400> 37
gatgcaggga tgatgttctg 20

<210> 38
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Yakima Yellow-priomer #171-BHQ1

<400> 38
cctccgaaa gctgtggcgt 20

<210> 39
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Yakima Yellow-primer #172-BHQ1

<400> 39
ccatcactgc caccagaag actg 24

<210> 40
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Cy5-primer #173-BHQ3

<400> 40
atctccaaag ccaaaggga gcc 23

<210> 41
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Yakima Yellow-primer #174-BHQ1

<400> 41
agatcccgcc aacatcaa at ggg 23

<210> 42
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Yakima Yellow-primer #175-BHQ1

<400> 42
aacatcaa at ggggtgatgc tggc 24

<210> 43
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer #176-BHQ1

<400> 43
aacatcaa at ggggtgatgc tggc 24

<210> 44
<211> 323
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 44
gaactgtggc tgcaccatct gtcttcatct tcccgccatc tgatgagcag ttgaaatctg 60
gaactgcctc tgttgtgtgc ctgctgaata acttctatcc cagagaggcc aaagtacagt 120
ggaaggtgga taacgccctc caatcgggta actcccagga gagtgtcaca gaggcaggaca 180
gcaaggacag cacctacagc ctcagcagca ccctgacgct gagcaaagca gactacgaga 240
aacacaaagt ctacgcctgc gaagtcaccc atcagggcct gagctcgccc gtcacaaaga 300
gcttcaacag gggagagtgt tag 323

<210> 45
<211> 294
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 45
cctccaccaa gggcccatcg gtcttcccc tggcaccctc ctccaagagc acctctgggg 60
gcacagcggc cctgggctgc ctggtcaagg actacttccc cgaaccggtg acggtgtcgt 120
ggaactcagg cgccctgacc agcggcgtgc acaccttccc ggctgtccta cagtcctcag 180
gactctactc cctcagcagc gtggtgaccg tgccctccag cagcttgggc acccagacct 240
acatctgcaa cgtgaatcac aagcccagca acaccaaggt ggacaagaaa gttg 294

<210> 46
<211> 330
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 46
cacctgaact cctgggggga ccgtcagtct tcctcttccc cccaaaaccc aaggacaccc 60
tcatgatctc ccggaccctc gaggtcacat gcgtgggtgt ggacgtgagc cacgaagacc 120
ctgaggtcaa gttcaactgg tacgtggacg gcgtggaggt gcataatgcc aagacaaagc 180
cgcgaggagga gcagtacaac agcacgtacc gtgtggtcag cgtcctcacc gtctctgacc 240
aggactggct gaatggcaag gagtacaagt gcaaggtctc caacaaagcc ctcccagccc 300
ccatcgagaa aacctctctc aaagccaaag 330

<210> 47
<211> 323
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 47
ggcagcccccg agaaccacag gtgtacaccc tgcccccatc ccgggatgag ctgaccaaga 60
accaggtcag cctgacctgc ctgggtcaaag gcttctatcc cagcgacatc gccgtggagt 120
gggagagcaa tgggcagccg gagaacaact acaagaccac gcctcccgtg ctggactccg 180
acggctcctt ctctctctac agcaagctca ccgtggacaa gagcaggtgg cagcagggga 240
acgtcttctc atgctccgtg atgcatgagg ctctgcacaa ccactacacg cagaagagcc 300
tctccctgtc cccgggcaaa tga 323