

世界知识产权组织标准委员会 (CWS)

第四届会议

2014年5月12日至16日，日内瓦

关于用可扩展标记语言 (XML) 表示核苷酸和氨基酸序列的新 WIPO 标准

秘书处编拟的文件

1. 文件 CWS/4/7 载有关于新 WIPO 标准 ST.26 “关于用 XML (可扩展标记语言) 表示核苷酸和氨基酸序列的推荐标准”的提案，是由 SEQL 工作队编拟的。该提案正提交 WIPO 标准委员会 (标准委员会) 审议和通过。
2. 新 WIPO 标准 ST.26 的草案提交国际局之后，经过工作队又一轮讨论，工作队同意有必要对文件 CWS/4/7 中提出的草案做进一步修改。现将文件 CWS/4/7 中提出的新标准 ST.26 草案的拟议修正转录于本文件附件，请标准委员会审议和批准。
3. *请标准委员会审议并批准本文件附件中转录的新标准 ST.26 草案的拟议修正。*

[后接附件]

WIPO 标准 ST. 26 草案的修正提案

欧洲专利局(EPO)编拟的文件

导 言

1. 新标准 ST. 26 草案提交标准委员会审议之后(见文件 CWS/4/7)，代表三边局的一组 SEQL 工作队成员提出对新标准草案的正文及其附件二进行若干修正。提议得到了工作队的同意，现转录如下。
2. 提出修改正文第 29 段，是为了便于执业者确认某一氨基酸是否经过了翻译后修饰。
3. 提出修改附件二(DTD)，是为了使之与正文保持一致，具体涉及数据元素 IPOfficeCode，它原为 ApplicationIdentification 和 EarliestPriorityApplicationIdentification 两元素的备选项，现在在两种情况中都被定义为强制元素。

新标准 ST. 26 草案正文的修正

29. A modified amino acid must be further described in a feature table (see paragraph 60 *et seq.*). The feature key "MOD_RES" ~~must~~ **should** be used for post-translationally modified amino acids together with the qualifier "NOTE"; **otherwise,** ~~and~~ the feature key "SITE" ~~for other modified amino acids~~ together with the qualifier "NOTE" **should be used.** The value for the qualifier "NOTE" must either be an abbreviation set forth in Annex I (see Section 4, Table 4), or the complete, unabbreviated name of the modified amino acid. The abbreviations set forth in Table 4 referred to above or the complete, unabbreviated names must not be used in the sequence itself.

新标准 ST. 26 草案附件二(DTD)的修正

```
<!--ApplicationIdentification
Application identification for which the sequence listing is submitted, when available.
-->
<!ELEMENT ApplicationIdentification (IPOfficeCode?,ApplicationNumberText,
    FilingDate?) >

<!--EarliestPriorityApplicationIdentification
Application identification of the earliest claimed priority, which Contains IPOfficeCode,
ApplicationNumberText and FilingDate elements.
-->
<!ELEMENT EarliestPriorityApplicationIdentification (IPOfficeCode?,
    ApplicationNumberText,FilingDate?) >
```

[附件和文件完]