

Comité de Normas Técnicas de la OMPI (CWS)

Cuarta sesión
Ginebra, 12 a 16 de mayo de 2014

NUEVA NORMA DE LA OMPI SOBRE LA PRESENTACIÓN DE LISTAS DE SECUENCIAS DE NUCLEÓTIDOS Y AMINOÁCIDOS EN LENGUAJE EXTENSIBLE DE MARCADO (XML)

Documento preparado por la Secretaría

1. El documento CWS/4/7 contiene una propuesta de nueva Norma ST.26 de la OMPI denominada “Norma recomendada para la presentación de listas de secuencias de nucleótidos y aminoácidos en lenguaje extensible de marcado (XML)”, preparada por el Equipo Técnico SEQL. Se presenta la siguiente propuesta a fin de que sea examinada y aprobada por el Comité de Normas Técnicas de la OMPI (CWS).
2. A raíz de otra ronda de debates del Equipo Técnico, celebrada luego de que se sometiera el proyecto de nueva Norma ST.26 de la OMPI a consideración de la Oficina Internacional, el Equipo Técnico acordó que era necesario introducir otras modificaciones a la propuesta contenida en el documento CWS/4/7. Las modificaciones que se propone introducir en el proyecto de nueva Norma ST.26 de la OMPI, presentado en el documento CWS/4/7, figuran en el Anexo del presente documento, a fin de que las examine y apruebe el CWS.
3. *Se invita al CWS a examinar y aprobar las modificaciones introducidas en el proyecto de nueva Norma ST.26 de la OMPI, que figura en el Anexo del presente documento.*

[Sigue el Anexo]

PROPUESTA DE MODIFICACIONES AL PROYECTO DE NUEVA NORMA ST.26 DE LA OMPI

Documento preparado por la Oficina Europea de Patentes (OEP)

INTRODUCCIÓN

1. Luego de someter el proyecto de nueva Norma ST.26 de la OMPI a examen del CWS (véase documento CWS/4/7), un grupo de miembros del Equipo Técnico SEQL, representantes de las Oficinas de la Cooperación Trilateral, propusieron una serie de modificaciones al cuerpo principal del proyecto de nueva Norma, así como al Anexo II correspondiente. A continuación se presentan las propuestas acordadas por el Equipo Técnico.
2. Los cambios que se propone introducir en el párrafo 29 del cuerpo principal tienen por objetivo permitir que los profesionales determinen más fácilmente si un aminoácido dado ha sido objeto de una modificación postraduccional o no.
3. Los cambios que se propone introducir en el Anexo II (DTD) tienen por objetivo armonizar su contenido con el del cuerpo principal respecto del elemento individual de datos IPOfficeCode, que era facultativo para los elementos ApplicationIdentification y EarliestPriorityApplicationIdentification, y que se ha definido como obligatorio en ambos casos.

MODIFICACIONES AL CUERPO PRINCIPAL DEL PROYECTO DE NUEVA NORMA ST.26

29. Los aminoácidos modificados deberán describirse con detalle en el cuadro de características (véanse los párrafos 60 y siguientes). La clave de caracterización "MOD_RES" deberá utilizarse para las modificaciones postraduccionales de los aminoácidos junto con el calificador "NOTE"; de lo contrario, y deberá utilizarse la clave de caracterización "SITE" para otros aminoácidos modificados junto con el calificador "NOTE". El valor del calificador "NOTE" deberá ser ya sea una abreviatura descrita en el Anexo I (véase el Cuadro 4 de la Sección 4), o el nombre completo no abreviado del aminoácido modificado. Las abreviaturas descritas en el Cuadro 4 que se mencionan *supra* o los nombres completos no abreviados no deberán utilizarse en la propia secuencia.

MODIFICACIONES AL ANEXO II DEL PROYECTO DE NUEVA NORMA ST.26 (DTD)

```
<!--ApplicationIdentification
Application identification for which the sequence listing is submitted, when available.
-->
<!ELEMENT ApplicationIdentification (IPOfficeCode?,ApplicationNumberText,
FilingDate?) >

<!--EarliestPriorityApplicationIdentification
Application identification of the earliest claimed priority, which Contains
IPOfficeCode, ApplicationNumberText and FilingDate elements.
-->
<!ELEMENT EarliestPriorityApplicationIdentification (IPOfficeCode?,
ApplicationNumberText,FilingDate?) >
```

[Fin del Anexo y del documento]